

口頭発表

第1日目 8月29日(火) 13:30~16:30

時間	A会場	B会場	C会場
	二次代謝 1 / 発生分化・形態形成	一次代謝 / 二次代謝 2	環境応答・環境修復 / 植物-微生物相互作用
13:30	<p>1A-01</p> <p>ヘミセルロース合成阻害によるリグニン構造への影響</p> <p>Effect of inhibition of hemicellulose biosynthesis on the structure of lignin</p> <p>○坂本 正弘¹、真嶋 雄二郎¹、加藤 あすか¹、中沢 威人¹、本田 与一¹、山村 正臣²、飛松 裕基²、梅澤 俊明^{2,3} (¹京都大学大学院農学研究科、²京都大学 生存圏研究所、³京都大学 グローバル生存基盤)</p>	<p>1B-01</p> <p>メタボローム解析によるシアノバクテリアANADキナーゼの機能解明</p> <p>Functional analysis of cyanobacterial NAD kinase by metabolome analysis</p> <p>○石川 優真¹、宮城 敦子¹、金子 康子²、石川 寿樹¹、長野 稔¹、山口 雅利¹、日原 由香子¹、川合 真紀¹ (¹埼玉大院・理工、²埼玉大・教育)</p>	<p>1C-01</p> <p>CRISPR/Cas9によるモデルイチゴのゲノム編集技術の確立</p> <p>Genome editing of a model strawberry, <i>Fragaria vesca</i></p> <p>田上 翔也¹、島田 佳南里¹、篠原 啓子²、刑部 敬史¹、○刑部 祐里子¹ (¹徳島大学 生物資源産業、²徳島県立 農林水産総合技術センター)</p>
13:42	<p>1A-02</p> <p>リグニン含量の異なるソルガムを用いたリグノセルロースの性状解析</p> <p>Characterization of lignocelluloses from <i>Sorghum</i> lines having different lignin contents</p> <p>○山村 正臣¹、宮本 託志¹、Wahyuni²、飛松 裕基¹、小柴 太一³、徳永 毅³、梅澤 俊明^{1,4} (¹京大生存研、²インドネシア科学院 (LIPI)、³(株)アースノート、⁴京大グローバル生存基盤)</p>	<p>1B-02</p> <p>イオンビーム育種による低シュウ酸イネの作出</p> <p>The production of low-oxalate rice using ion beam breeding</p> <p>○宮城 敦子¹、西丸 拓也¹、針谷 のぞみ²、大野 豊³、長谷 純宏³、長野 稔¹、石川 寿樹¹、山口 雅利¹、川合 真紀¹ (¹埼玉大・院・理工、²埼玉大・工、³量研機構・高崎)</p>	<p>1C-02</p> <p>植物単細胞内のミトコンドリア速度の測定法</p> <p>Method for measuring the mitochondrial velocity in single plant cell</p> <p>○今井 拓人¹、児玉 豊^{1,2}、沼田 圭司¹ (¹理研・CSRS・酵素、²宇都宮大・バイオ)</p>
13:54	<p>1A-03</p> <p>ヨウシュヤマゴボウ培養細胞由来糖転移酵素を用いたステルベン誘導体の配糖化</p> <p>Glycosylation of Stilbene Derivatives Using Glycosyltransferase from <i>Phytolacca Americana</i> Cultured Cell</p> <p>○濱田 博喜¹、藤高 侑也¹、荒木 美奈実¹、上杉 大介¹、中山 亨²、小崎 紳一³、下田 恵⁴、井上 豪⁵ (¹岡山理科大・理、²東北大・工、³山口大・農、⁴大分大・医、⁵大阪大・工)</p>	<p>1B-03</p> <p>ゲンチオオリゴ糖代謝を調節する酵素GtGen3Aの機能解明</p> <p>Characterization of GtGen3A purified from <i>Gentiana triflora</i> that involved in gentio-oligosaccharide metabolism</p> <p>○高橋 秀行¹、加藤 大明¹、金野 尚武²、竹田 匠¹ (¹(公財) 岩手生工研セ、²宇都宮大・農)</p>	<p>1C-03</p> <p>シロイヌナズナにおける葉緑体寒冷定位運動</p> <p>Chloroplast cold positioning in <i>Arabidopsis thaliana</i></p> <p>○田中 裕之^{1,2}、児玉 豊¹ (¹宇都宮大・バイオセンター、²宇都宮大・地共センター)</p>
14:06	<p>1A-04</p> <p>チャの香気成分2-phenylethanol生合成に関与する酵素の機能解明</p> <p>Functional characterization of 2-phenylethanol biosynthetic enzymes in <i>C. sinensis</i></p> <p>○澤井 伸也¹、阪井 直哉¹、山下 寛人¹、一家 崇志²、森田 明雄²、勝野 剛³、渡邊 修治⁴、大西 利幸^{2,4,5} (¹静大院:総合農、²静大・学院院農、³静岡県・茶研センター、⁴静大院・創造、⁵静大・グリーン研)</p>	<p>1B-04</p> <p>糖シグナルによる植物の栄養成長と病原体抵抗性のトレードオフ制御機構</p> <p>Regulatory mechanism of plant immunity by sugar availability in Arabidopsis plants</p> <p>○佐藤 長緒、Xingwen Li、山口 淳二 (北海道大院・理)</p>	<p>1C-04</p> <p>乳酸脱水素酵素に対するデハイドリンKセグメントの凍結保護メカニズム</p> <p>The cryoprotective mechanism of dehydrin K-segment for lactate dehydrogenase</p> <p>○神谷 慶太¹、原 正和^{1,2} (¹静岡大学院 総合科学技術研究科 農学専攻、²静岡大学 グリーン科学技術研究所)</p>

口頭発表

第1日目 8月29日(火) 13:30~16:30

時間	A会場	B会場	C会場
14:18	<p>1A-05</p> <p>イソキノリンアルカロイド生合成系の制御に関わるAP2/ERF転写因子群の探索と機能解析</p> <p>Investigation and characterization of AP2/ERF transcription factors involved in the regulation of isoquinoline alkaloid biosynthesis</p> <p>○山田 泰之、西田 昇平、佐藤 文彦(京都大学大学院 生命科学研究所 全能性統御機構学分野)</p>	<p>1B-05</p> <p>ユビキチンリガーゼによる膜交通の制御を介したC/N栄養応答機構</p> <p>Regulation mechanism of C/N response via membrane traffic modification by ubiquitin ligase</p> <p>○長谷川 陽子¹、藤巻 あかり²、保月 彰太¹、佐藤 長緒¹、山口 淳二¹(¹北大院・生命、²北大・理)</p>	<p>1C-05</p> <p>モノテルペンによる植物熱ショック応答の誘導</p> <p>Induction of heat shock response in plant by monoterpenes</p> <p>山内 直也¹、角田 佳紀¹、○原 正和^{1,2}(¹静岡大・農、²静岡大・グリーン研)</p>
14:30	<p>1A-06</p> <p>トマトのステロイドアルカロイド生合成のジャスモン酸応答性はCOI1受容体とJRE4転写因子に依存する</p> <p>Jasmonate-dependent formation of steroidal glycoalkaloids mediated by COI1 receptor and JRE4 transcription factor in tomato</p> <p>○庄司 翼¹、Ayman Abdelkareem¹、Thagun Chonprakun¹、中安 大²、水谷 正治²、橋本 隆¹(¹奈良先端科学技術大学院大学 バイオサイエンス研究科、²神戸大院 農)</p>	<p>1B-06</p> <p>孔辺細胞と葉肉細胞の脂質組成の違い</p> <p>Differences in Lipid Composition between Mesophyll Cell and Guard Cell</p> <p>○多田 遼亮¹、宋 普錫¹、楠見 健介¹、西田 生郎²、射場 厚¹、祢宜 淳太郎¹(九州大院・理、²埼玉大院・理工)</p>	<p>1C-06</p> <p>シロイヌナズナaccession間にみられる高温耐性ナチュラルバリエーションの遺伝学的解析</p> <p>Natural variation in heat tolerance under continuous heat stress among <i>Arabidopsis thaliana</i> accessions</p> <p>○磯野 一帆¹、田中 啓介²、坂田 洋一¹、太治 輝昭¹(¹東京農大・バイオ、²東京農大・ゲノムセンター)</p>
14:42	<p>1A-07</p> <p>ゼニゴケALOGドメイン遺伝子<i>MpTAW1</i>の機能解析</p> <p>Evolutionary-developmental analysis of <i>ALOG</i> family protein in <i>Marchantia polymorpha</i></p> <p>○檜本 悟史¹、石崎 公庸²、嶋村 正樹³、徳永 浩樹⁴、吉田 明希子⁴、西浜 竜一⁵、河内 孝之⁵、経塚 淳子¹(¹東北大・院・生命科学、²神戸大・院・理、³広島大・院・理、⁴理研・CSRS、⁵京都大・院・生命科学)</p>	<p>1B-07</p> <p>ゼニゴケにおけるセリン合成酵素3-phosphoglycerate dehydrogenaseの解析</p> <p>Study of a serine biosynthetic enzyme 3-phosphoglycerate dehydrogenase in <i>Marchantia polymorpha</i>.</p> <p>○明石 寛道^{1,2}、岡村 英治¹、平井 優美^{1,2}(¹理化学研究所環境資源科学研究センター、²名大院・生命農学)</p>	<p>1C-07</p> <p>トマトの高温ストレス下におけるRNAseq解析および<i>HsfA1</i>過剰発現トマトの作出</p> <p>RNAseq analysis in heat response of tomato and generation of <i>HsfA1</i>-overexpressor tomato plants</p> <p>○齋藤 雄一¹、星川 健²、江面 浩²、田中 啓介³、矢嶋 俊介³、坂田 洋一¹、太治 輝昭¹(¹東京農大・バイオ、²筑波大・生命環境科学、³東京農大・生物資源ゲノムセンター)</p>
14:54	<p>1A-08</p> <p>葉の発生におけるmiR319とTCP転写因子の多層的な制御機構の解析</p> <p>Roles of miR319 and <i>TCP</i> genes in the regulation of <i>Arabidopsis thaliana</i> leaf development</p> <p>○小山 知嗣¹、佐藤 文彦²、高木 優^{3,4}(¹サントリー生命科学財団・生有研、²京都大院・生命科学、³埼玉大院・理工、⁴産総研・生物プロセス)</p>	<p>1B-08</p> <p>植物のセリン生合成を担う3-ホスホグリセリン酸デヒドロゲナーゼの新規活性制御機構</p> <p>Novel regulatory mechanism of 3-phosphoglycerate dehydrogenase in serine biosynthesis in plants II</p> <p>○岡村 英治、平井 優美(理研CSRS)</p>	<p>1C-08</p> <p>シロイヌナズナの高温応答に関する新規因子<i>HTS1</i>の同定</p> <p>Identification of <i>Arabidopsis HTS1</i> gene associated with the high temperature response</p> <p>○小賀田 拓也¹、藤田 泰成^{1,2}(¹国際農研・生物資源利用、²筑波大・生命環境)</p>

口頭発表

第1日目 8月29日(火) 13:30~16:30

時間	A会場	B会場	C会場
15:06	<p>1A-09</p> <p>葉の形態形成を司るシロイヌナズナの <i>MYB</i> 転写因子 <i>ASYMMETRIC LEAVES 1 (AS1)</i> タンパク質の細胞内局在における新たな知見</p> <p>New Insights into the Subcellular Localization of <i>ASYMMETRIC LEAVES 1 (AS1)</i> protein, a <i>MYB</i> transcriptional factor that regulates leaf development in <i>Arabidopsis</i></p> <p>○鈴木 崇紀^{1,4}、笹部 美知子²、町田 千代子³、町田 泰則¹ (¹石原産業(株)・中央研、²弘前大・農学生命、³中部大・応用生物、⁴名古屋大院・理)</p>	<p>1B-09</p> <p>高温ストレスに応答したシロイヌナズナ葉の脂質組成と候補遺伝子の解析</p> <p>Landscape of the lipidome and transcriptome under heat stress in <i>Arabidopsis thaliana</i></p> <p>○東 泰弘¹、岡咲 洋三¹、明賀 史純¹、篠崎 一雄¹、齊藤 和季^{1,2} (¹理研CSRS、²千葉大院・薬)</p>	<p>1C-09</p> <p>ABAシグナル伝達系におけるCasein kinase IIの役割</p> <p>The roles of Casein kinase II in ABA response in <i>Arabidopsis</i> protoplasts</p> <p>○永利 友佳理¹、藤田 泰成^{1,2} (¹国際農林水産業研究センター 生物資源・利用領域、²筑波大学大学院 生命環境科学研究科)</p>
15:18	<p>1A-10</p> <p>ニンジン不定胚における液胞膜アクアポリン遺伝子<i>DcTIP3</i>の解析</p> <p>Analysis of the gene encoding a tonoplast aquaporin <i>DcTIP3</i> in carrot somatic embryogenesis</p> <p>神崎 辰弥、朝倉 さくら子、松澤 篤史、○塩田 肇 (横浜国立大学大学院 生命ナノシステム科学研究科)</p>	<p>1B-10</p> <p>ダイズの環境ストレス応答に関わる代謝酵素研究</p> <p>Study of metabolic enzymes responding to environmental stress in soybean</p> <p>○内田 開¹、澤田 有司¹、落合 孝次²、佐藤 心郎¹、岡本 真美¹、平井 優美¹ (¹理研CSRS、²ベジタブル製薬)</p>	<p>1C-10</p> <p>ABA応答におけるイノシトールピロリン酸の役割の解明</p> <p>Clarification of the role of inositol pyrophosphates in ABA response</p> <p>○海老 勇吾、早川 郷、吉田 薫 (東京大院・農)</p>
15:30	<p>1A-11</p> <p>トコニ不定芽形成におけるオーキシンの影響</p> <p>Effects of auxin on adventitious shoot formation in ipecac</p> <p>○小池 衣茉莉¹、林 謙一郎²、笠原 博幸^{3,4}、下村 謙一郎¹、梅原 三貴久¹ (¹東洋大・院・生命科学、²岡山理大・理・生物化学、³理研・環境資源科学セ、⁴東京農工大・グローバルイノベーション研究院)</p>	<p>1B-11</p> <p>マメ科プロテロカルパン生合成の最終反応は dirigent domain-containing proteinが触媒する</p> <p>A dirigent domain-containing protein catalyzes the last step of pterocarpan biosynthesis in leguminous plants</p> <p>内田 開^{1,2}、○明石 智義¹、青木 俊夫¹ (¹日本大学 生物資源科学部 応用生物科学科、²理研CSRS)</p>	<p>1C-11</p> <p>イネ科モデル植物ミナトカモジグサにおけるサリチル酸依存型制御因子BdNPR1の機能解明</p> <p>Salicylic acid dependent regulator BdNPR1-mediated immune system in the model monocot plant <i>Brachypodium distachyon</i></p> <p>○星野 稜介¹、上村 卓矢¹、福田 達彦¹、早瀬 麟太郎¹、根本 圭一郎²、澤崎 達也²、安部 洋³、有村 源一郎¹ (¹東京理科大学・生物工、²愛媛大学・プロテオサイエンスセンター、³理研BRC)</p>
15:42	<p>1A-12</p> <p>イネの幼苗期における葉緑体ppGpp合成酵素遺伝子の発現解析</p> <p>Gene expression regulation in ppGpp synthesis during early rice seedling development</p> <p>○伊藤 和洋¹、楠見 健介²、射場 厚² (¹九州大学 理学部、²九州大学 大学院 理学研究院)</p>	<p>1B-12</p> <p>フラボノイド-ジ-C-配糖化酵素の基質受容機構の解析</p> <p>Analysis of the substrate acceptance of flavonoid-di-C-glucosyltransferases</p> <p>○山岸 由起子¹、水藤 史明²、田口 悟朗^{1,3} (¹信州大学大学院 総合理工学研究科 繊維学専攻 応用生物科学分野 田口研究室、²東大院・新領域、³信州大・繊維)</p>	<p>1C-12</p> <p>根寄生植物<i>Orobanchae aegyptiaca</i>と宿主植物間のシンプラスミクな接続形成</p> <p>Characterization of symplasmic continuity between <i>Orobanchae aegyptiaca</i> and a host plant</p> <p>○江川 美菜子、青木 考 (大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科)</p>

口頭発表

第1日目 8月29日(火) 13:30~16:30

時間	A会場	B会場	C会場
15:54	<p>1A-13</p> <p>イネの表皮分化に関わる受容体型プロテインキナーゼ遺伝子の同定</p> <p>Identification of the receptor-like protein kinase gene involved in epidermis development in rice</p> <p>○菊池 達也¹、小暮 恵太¹、小松 陽花^{2,3}、佐藤 菜々^{2,4}、高橋 ほなみ¹、伊藤 幸博^{1,2} (¹東北大学大学院 農学研究科、²東北大学科学者の卵養成講座、³現・東北大学 工学部、⁴現・東北大学 理学部)</p>	<p>1B-13</p> <p>ダイズ由来カルコン還元酵素相同遺伝子群の生理機能分担</p> <p>Characterization of physiological significances of chalcone reductase paralogs in soybean [<i>Glycine max</i> (L.) Merr.]</p> <p>○大豆田 亮、和氣 駿之、高橋 征司、中山 亨(東北大院・工)</p>	<p>1C-13</p> <p>アメリカネナシカズラが持つ付着器の形成に関与する遺伝子の探索</p> <p>Searching genes responsible for holdfast formation of <i>Cuscuta campestris</i></p> <p>○藤原 大輝¹、横山 隆亮²、西谷 和彦²、青木 考¹(¹大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科、²東北大学大学院 生命科学研究科)</p>
16:06	<p>1A-14</p> <p>イネの花粉形成における葯タペート細胞のオートファジー・プログラム細胞死の制御機構</p> <p>Critical roles of autophagy in the regulation of reproductive development and programmed cell death in rice</p> <p>○来須 孝光¹、澤田 隼平¹、瀬良 ゆり¹、花俣 繁^{1,2}、小野 聖二郎³、賀屋 秀隆⁴、土岐 精一⁴、野々村 賢一³、朽津 和幸^{1,2} (¹東京理科大・理工・応用生物科学、²東京理科大・イメージングフロンティアセンター、³遺伝研・実験圃場、⁴農研機構・生物機能・先進作物ゲノム)</p>	<p>1B-14</p> <p>ダイズ由来GH1 β-グルコシダーゼパラログの機能解析</p> <p>Biochemical characterization of Glycoside hydrolase family 1 β-glucosidase paralogs from soybean [<i>Glycine max</i> (L.) Merr.]</p> <p>○山田 えりか、和氣 駿之、高橋 征司、中山 亨(東北大院・工)</p>	
16:18	<p>1A-15</p> <p>イノシトールリン脂質が制御する根毛の形態形成</p> <p>Two phosphoinositides control root hair morphogenesis in Arabidopsis</p> <p>○平野 朋子¹、武田 征士¹、加藤 真理子²、青山 卓史²、桧垣 匠³、今村 寿子⁴、佐藤 雅彦¹(¹京都府立大学大学院生命環境科学研究科、²京都大学化学研究所、³東京大学大学院新領域創成科学研究科、⁴九州大学医学研究院)</p>	<p>1B-15</p> <p>パラゴムノキのシス型プレニル鎖延長酵素ファミリーの包括的機能解析</p> <p>Characterizations of <i>cis</i>-prenyltransferases from <i>Hevea brasiliensis</i></p> <p>○石井 智樹¹、山家 史大¹、和氣 駿之¹、青木 裕一¹、山下 哲²、高橋 征司¹、中山 亨¹(¹東北大院 工、²金沢大 理工)</p>	

口頭発表

第2日目 8月30日(水) 9:15~12:27

時間	C会場	D会場
	英語セッション (口頭発表) / English	遺伝子解析 / 遺伝子組換え植物 1
9:15	<p>2C-01</p> <p>リンゴ<i>S</i> 遺伝子の研究: シーケンス解析に準拠した高性能DNAマーカー「<i>APPLid</i>」(アブリッド)の開発およびALS Vベクターによるプロモーターメチル化</p> <p>Apple <i>S-RNase</i> gene: development of a sequencing-based competent DNA marker '<i>APPLid</i>' and promoter methylation by ALSV vectors</p> <p>○笠島 一郎、李 春江、山岸 紀子、菊池 哲平、伊藤 慎、吉川 信幸 (岩手大・農)</p>	<p>2D-01</p> <p>リンドウの花色濃淡制御に関わる因子の解析</p> <p>Analysis of factors responsible for flower color intensity in Japanese gentian</p> <p>○田崎 啓介¹、樋口 敦美¹、渡辺 藍子¹、黒川 良美¹、鷺足 理恵¹、高橋 秀行¹、佐々木 伸大²、西原 昌宏¹ (¹岩手生工研、²東洋大・食環境科学)</p>
9:27	<p>2C-02</p> <p>Intracellular Uptake and trafficking of DNA delivered by a stimuli-responsive peptide</p> <p>○Jo-Ann Chuah、沼田 圭司 (理化学研究所 環境資源科学研究センター)</p>	<p>2D-02</p> <p>マイクロトム新奇<i>nor</i>変異体の特徴付け</p> <p>Characterization of a novel <i>nor</i> mutant in Micro-Tom</p> <p>○王 寧¹、草野 都^{1,2}、有泉 亨¹、江面 浩¹ (¹筑波大院・生命環境、²理研・環境資源科学研究センター)</p>
9:39	<p>2C-03</p> <p>CRISPR/Cas9により得られたGABA高蓄積トマトの育種利用</p> <p>Utilization of high GABA tomato via CRISPR/Cas9 for F₁ hybrid breeding</p> <p>○Jeongeun Lee¹、Satoko Nonaka^{2,3}、Mariko Takayama²、Hiroshi Ezura^{2,3} (¹筑波大学大学院 生命環境科学研究科、²筑波大学 生命環境系、³筑波大学 つくば機能植物イノベーション研究センター)</p>	<p>2D-03</p> <p><i>Brassica rapa</i>の種内一側性不和合性を制御する<i>SUI1-PUI1</i>遺伝子</p> <p><i>SUI1</i> and <i>PUI1</i> genes involved in intraspecies unilateral incompatibility in <i>Brassica rapa</i>.</p> <p>高田 美信¹、○鈴木 剛²、村瀬 浩司^{3,4}、浅野 (下里) 裕子³、佐藤 陽洋¹、中西 ほか²、諏訪部 圭太⁵、Yong Pyo Lim⁶、清水 健太郎^{7,8}、高山 誠司^{3,4}、渡辺 正夫¹ (¹東北大院・生命、²大阪教育大・教育協働、³奈良先端大院・バイオ、⁴東京大院・農学生命、⁵三重大院・生物資源、⁶忠南大、⁷チューリッヒ大・進化生物環境研、⁸横浜市大・木原生研)</p>
9:51	<p>2C-04</p> <p>ニガヨモギカルスにおける抗マラリア薬前駆体アモルファ-4,11-ジエンの異種生産</p> <p>Heterologous production of antimalarial precursor amorpho-4,11-diene in <i>Artemisia absinthium</i> L. calli</p> <p>○Agus Setiawan¹、Paskorn Muangphrom¹、Ery Odette Fukushima^{1,2}、Hikaru Seki¹、Toshiya Muranaka¹ (¹Dept. Biotech., Grad. Sch. Eng., Univ. Osaka、²COiRE, Grad. Sch. Eng., Univ. Osaka)</p>	<p>2D-04</p> <p>植物特有なスフィンゴ脂質不飽和構造の分子進化</p> <p>Molecular evolution of sphingolipid desaturase responsible for plant-specific structural diversity</p> <p>○石川 寿樹、葛葉 修平、小川 洋佑、川合 真紀 (埼玉大院・理工)</p>
10:03	<p>2C-05</p> <p>生合成遺伝子の破壊によるミヤコグサトリテルペノイド組成の変化</p> <p>Effect of biosynthetic gene disruption on triterpenoid content in <i>Lotus japonicus</i></p> <p>○鈴木 隼人¹、福島 エリオデット^{1,2}、關 光¹、村中 俊哉¹ (¹阪大院・工・生命先端、²阪大院・工・COiRE)</p>	<p>2D-05</p> <p>パラゴムノキ <i>Hevea Brasiliensis</i> ゲノム塩基配列の改善</p> <p>Improvement of Genome Sequence of a Rubber tree <i>Hevea Brasiliensis</i></p> <p>○中村 保一¹、望月 孝子¹、井手 康平²、渡辺 訓江² (¹国立遺伝学研究所、²アリヂストン中央研究所)</p>
10:15	<p>2C-06</p> <p>新規の非ステロイド性抗炎症薬 (NSAIDs) 開発のための植物トリテルペノイドを対象としたリード化合物の探索</p> <p>Triterpenoids as lead compounds for the production of non-steroidal anti-inflammatory drugs (NSAIDs)</p> <p>○Nhu Ngoc Quynh Vo¹、福島 エリオデット^{1,2}、村中 俊哉¹ (¹大阪大院・工、²大阪大院・工・COiRE)</p>	<p>2D-06</p> <p>酵母や植物細胞を利用して特定のDNAやタンパク質と相互作用する転写因子をスクリーニングする実験系の開発</p> <p>Development of high-throughput screening system of transcription factor to interact with particular DNA and/or protein by employing yeast and/or plant cell</p> <p>○光田 展隆^{1,4}、坂本 真吾¹、戸部 文絵¹、瀧口 裕子¹、堀井 陽子²、石塚 徹¹、市川 裕章³、松井 南²、高木 優^{1,4} (¹産総研・生物プロセス、²理研・環境資源科学、³農研機構、⁴埼玉大院・理工)</p>

口頭発表

第2日目 8月30日(水) 9:15~12:27

時間	C会場	D会場
10:27	<p>2C-07</p> <p>タルウマゴヤシ由来トリテルペノイド生合成関連CYP72Aサブファミリー酵素の機能的多様化</p> <p>Functional diversification of <i>Medicago truncatula</i> CYP72A subfamily enzymes in triterpene biosynthesis</p> <p>M. Z. Fanani¹, ○Ery Odette Fukushima^{1,2}, Satoru Sawai³, Kiyoshi Ohyama^{3,4}, Hikaru Seki¹, Kazuki Saito^{3,5}, Toshiya Muranaka¹ (¹Dept. Biotech., Grad. Sch. Eng., Univ. Osaka, ²COiRE, Gra. Sch. Eng., Univ. Osaka, ³RIKEN CSRS, ⁴Dept. Chem. Mat. Sci. TITECH, ⁵Grad. Sch. of Pharm. Sci. Chiba Univ.)</p>	<p>2D-07</p> <p>DNAメチル化に依存しない遺伝子サイレンシング機構</p> <p>Gene silencing independent of DNA methylation</p> <p>○西村 泰介¹, 湯川 祐介¹, 野川 省吾¹, 佐藤 卓磨¹, Larissa Broger², 山口 勝司³, 重信 秀治³, Eveline Van De Slijke⁴, Kris Gevaert⁴, Geert De Jaeger⁴, 山本 章子⁵, 武田 真⁵, 服部 束穂⁵, Jerzy Paszkowski⁶ (¹長岡技術科学大学, ²ジュネーブ大学, ³基生研, ⁴ゲント大学, ⁵名古屋大学, ⁶ケンブリッジ大学)</p>
10:39	<p>2C-08</p> <p>The Arabidopsis SnRK1 (AKIN 10) phosphorylates and down regulates AtHMGR1 activity</p> <p>○Jekson Robertlee¹, Keiko Kobayashi^{1,2}, Masashi Suzuki³, Toshiya Muranaka¹ (¹Department of Biotechnology, Graduate School of Engineering, Osaka University, ²Department of Chemical and Biological Sciences, Faculty of Science, Japan Woman's University, ³Graduate School of Agricultural and Life Sciences, The University of Tokyo)</p>	<p>2D-08</p> <p>セルラーゼの老化期特異的発現による稲わらの糖化性の向上</p> <p>Enhanced saccharification yields from rice straws by senescence-specific expression of cellulase</p> <p>市川 晋, 古川 佳世子, ○伊藤 幸博 (東北大学 大学院農学研究科)</p>
10:51	<p>2C-09</p> <p>Genetic and molecular interactions between nucleolar factors and AS1-AS2 for regulation of <i>ARF3</i> expression in establishment of leaf polarity in <i>Arabidopsis thaliana</i>.</p> <p>○Simon Vial Pradel¹, Sumie Keta¹, Masataka Suzuki¹, Yoko Matsumura², S. Kojima¹, Yasunori Machida², Chiyoko Machida¹ (¹Graduate School of Bioscience and Biotechnology, Chubu University, ²Nagoya University, Graduate School of Science)</p>	<p>2D-09</p> <p>イネ<i>BSR2</i>遺伝子の高発現により植物体が大型化し病害抵抗性を示すトレニアの作出</p> <p><i>BSR2</i> overexpressing <i>Torenia</i> displays both large plant size and disease resistance</p> <p>前田 哲^{1,2}, 佐々木 克友³, 大坪 憲弘⁴, ○森 昌樹¹ (¹農研機構・生物機能利用研究部門, ²筑波大院・生命環境, ³農研機構・野菜花き研究部門, ⁴京都府立大)</p>
11:03	<p>2C-10</p> <p>NAC domain transcription factors, VNI2 and ATAF2 form a protein complex</p> <p>○Isura Nagahage¹, Kohei Matsuda², Shingo Sakamoto³, Minoru Nagano¹, Toshiki Ishikawa¹, Nobutaka Mitsuda^{1,3}, Maki Kawai-Yamada¹, Taku Demura², Masatoshi Yamaguchi¹ (¹Grad. Sci. Eng., Saitama Univ., ²Grad. Bio.Sci., NAIST, ³Advanced Inst. Sci. Technol.)</p>	<p>2D-10</p> <p>ストックの花弁における青方遷移した改変CpYGFPの発現</p> <p>Expression of an improved CpYGFP that have blue-shifted excitation spectra on flower petals of transgenic stock plants</p> <p>○橋爪 不二夫¹, 藤田 絢香¹, 白鳥 行大², 清水 晃尚², 加藤 晃³, 和賀 巖² (¹三重県農業研究所, ²NECソリューションイノベータ株式会社, ³奈良先端大・バイオ)</p>
11:15	<p>2C-11</p> <p>シロイヌナズナにおける窒素利用効率の向上に関わる転写因子の同定</p> <p>Identification of a transcription factor involved in improving nitrogen use efficiency in <i>Arabidopsis</i></p> <p>○Ji Min Shin¹, 鄭 貴美², Chuan-Ming Yeh¹, 光田 展隆^{1,2}, 高木 優^{1,2} (¹埼玉大院・理工, ²産総研・生物プロセス)</p>	<p>2D-11</p> <p>DNA-ペプチド複合体を用いたミトコンドリアゲノムへの遺伝子導入</p> <p>Gene transduction to mitochondrial genome by using DNA-peptide complex</p> <p>○無津呂 (青木) 裕美, 吉積 毅, 沼田 圭司 (理化学研究所 CSRS 酵素研究チーム)</p>

口頭発表

第2日目 8月30日(水) 9:15~12:27

時間	C会場	D会場
11:27	<p>2C-12</p> <p>エタノールは植物の耐塩性を強化する</p> <p>Ethanol Enhances High-salinity Stress Tolerance by Detoxifying Reactive Oxygen Species in <i>Arabidopsis thaliana</i> and Rice</p> <p>○Mai Huong Nguyen¹、佐古 香織¹、松井 章浩¹、鈴木 悠也²、Mohammad Golam Mostofa¹、Van Chien Ha¹、田中 真帆¹、Phan Lam Son Tran¹、土生 芳樹²、関 原明¹ (¹理化学研究所・CSRS、²農研機構・生物機能)</p>	<p>2D-12</p> <p>細胞透過性ペプチドのライブラリースクリーニング</p> <p>Screening for new efficient cell penetrating peptide</p> <p>○堀井 陽子、沼田 圭司 (理化学研究所 環境資源科学研究センター 酵素研究チーム)</p>
11:39		<p>2D-13</p> <p>ペプチド法を用いて組換えたシロイヌナズナ葉緑体の<i>in planta</i>選抜</p> <p>Development of <i>in planta</i> selection of <i>Arabidopsis</i> plastid transformed by peptide-based method</p> <p>○吉積 毅、沼田 圭司 (国立研究開発法人理化学研究所 CSRS 酵素研究チーム)</p>
11:51		<p>2D-14</p> <p>アグロバクテリウム法によるソルガムの形質転換系の確立</p> <p>Establishment of Agrobacterium-mediated sorghum transformation</p> <p>○栗山 朋子、松井 南 (理化学研究所 環境資源科学研究センター バイオマス工学研究部門 合成ゲノミクス研究グループ)</p>
12:03		<p>2D-15</p> <p>ソライロアサガオ形質転換体の作出</p> <p>Production of transgenic blue morning glory (<i>Ipomoea tricolor</i>) plants</p> <p>○大谷 基泰¹、古田 風¹、八反 順一郎¹、塩谷 侑子¹、仁田坂 英二²、三沢 典彦¹ (¹石川県大・生資研、²九州大・理)</p>
12:15		<p>2D-16</p> <p><i>Rhizobium rhizogenes</i>によるチャ (<i>Camellia sinensis</i> L.) の形質転換</p> <p>Transformation of tea plants (<i>Camellia sinensis</i> L.) mediated by <i>Rhizobium rhizogenes</i></p> <p>○寺前 香里¹、伊藤 弘樹²、山下 寛人¹、古川 一実³、小山 博之²、一家 崇志⁴、森田 明雄⁴ (¹静岡大学大学院 総合科学技術研究科 農学専攻、²岐阜大学大学院 連合農学研究科、³沼津工業高等専門学校 物質工学科、⁴静岡大学大学院 農学領域)</p>

口頭発表

第3日目 8月31日(木) 9:15~11:51

時間	B会場	C会場	D会場
	成長制御 / 細胞・組織培養 / オミクス解析	有用物質生産 / 二次代謝 3	遺伝子組換え植物 2 / その他
9:15	<p>3B-01</p> <p>硫酸イオン欠乏条件にตอบสนองして増加するストリゴラクトンの生理学的役割</p> <p>Physiological role of strigolactones increased in responses to sulfate ion deficiency</p> <p>○進藤 真登¹、下村 講一郎¹、山口 信次郎²、梅原 三貴久¹ (¹東洋大学大学院 生命科学研究科、²東北大学大学院 生命科学研究科)</p>	<p>3C-01</p> <p>導入した目的遺伝子の配列に特化した翻訳エンハンサーの選抜システム</p> <p>Selection system of specific translational enhancer for target transgene sequence</p> <p>○山崎 将太郎、上野 大心、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>3D-01</p> <p>CRISPR/Cas9により作出したイネ変異体の後代における分離異常とキメラ個体出現</p> <p>CRISPR/Cas9 in rice can induce unpredicted segregation and chimerism in later generations</p> <p>○石崎 琢磨 (国際農林水産業研究センター 熱帯・島嶼研究拠点)</p>
9:27	<p>3B-02</p> <p>ストリゴラクトンがイネおよびシロイヌナズナの種子サイズに与える影響</p> <p>Effect of strigolactones on seed size of rice and Arabidopsis</p> <p>○大竹 真未¹、山田 雄介¹、山口 信次郎²、梅原 三貴久¹ (¹東洋大・院・生命科学、²東北大・院・生命科学)</p>	<p>3C-02</p> <p>植物mRNAの内部切断部位に関する解析</p> <p>Analysis of internal degradation sites in plant mRNA</p> <p>○上野 大心、山崎 将太郎、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>3D-02</p> <p>高次倍数性かつ栄養繁殖性のキクにおいてゲノム編集を行うための技術開発</p> <p>Development of genome-editing method in higher polyploidy and vegetative-propagated <i>Chrysanthemum morifolium</i></p> <p>○加星 光子、間 竜太郎、佐々木 克友 (農研機構・野菜花き)</p>
9:39	<p>3B-03</p> <p>マイクロトム<i>SICCDB</i>欠損系統2757の特性評価</p> <p>Characteristics of <i>SICCDB</i>-defective mutants 2757 in Micro-Tom</p> <p>○長谷川 翔子¹、角田 奈央²、岡部 佳弘³、有泉 亨³、江面 浩³、梅原 三貴久^{1,2} (¹東洋大・院・生命科学、²東洋大・院・生命科学・応用生物、³筑波大・生命環境)</p>	<p>3C-03</p> <p>ウラルカンゾウ培養細胞によるグリチルレチン酸モノグルクロニドの生物変換</p> <p>Biotransformation of MGGR by Cultured Cells of <i>Glycyrrhiza uralensis</i></p> <p>○林 宏明、米田 結菜、平間 裕輝、藤井 勲 (岩手医科大学 薬学部)</p>	<p>3D-03</p> <p>CRISPR/Cas9を用いたニンジン遺伝子の標的改変</p> <p>Targeted mutagenesis of carrot genes using CRISPR/Cas9 system</p> <p>廣瀬 文昭¹、遠藤 真咲¹、三上 雅史^{1,2}、藤本 瑞³、廣瀬 咲子¹、土岐 精一^{1,2}、○市川 裕章¹ (¹農研機構・生物機能利用研究部門、²横浜市立大院・生命ナノ、³農研機構・高度解析センター)</p>
9:51	<p>3B-04</p> <p>クロマチン構造制御によるDNA倍加誘導</p> <p>Role of chromatin structure in induction of DNA polyploidization</p> <p>○高塚 大知¹、梅田 正明^{1,2} (¹奈良先端科学技術大学院大学 バイオサイエンス研究科、²科学技術振興機構・CREST)</p>	<p>3C-04</p> <p>アブラナ科およびヒガンバナ科野菜スプラウトの機能性</p> <p>Functionality of vegetable sprouts in Brassicaceae and Amaryllidaceae</p> <p>○根古谷 竜、下村 講一郎 (東洋大学大学院 生命科学研究科)</p>	<p>3D-04</p> <p>dCas9/sgRNA系を用いたGRASタンパク質の転写活性化能の評価</p> <p>Evaluation of GRAS protein transcriptional activation by dCas9/sgRNA system</p> <p>○阿部 修人¹、千葉 さつき²、石田 浩高¹、小倉 里江子¹、平塚 和之¹ (¹横浜国大院・環境情報、²横浜国大・理工)</p>
10:03	<p>3B-05</p> <p>袋型培養槽でのダイズ成熟不定胚の誘導</p> <p>Production of mature somatic embryos of soybean in culture-bag bioreactors</p> <p>○間宮 幹士¹、久野 香¹、藤澤 由紀子²、石本 政男²、村中 俊哉³、大西 昇¹ (¹キリン・基盤技術研究所、²農研機構・次世代作物開発研究センター、³阪大院・工・生命先端)</p>	<p>3C-05</p> <p>薬用植物カンゾウ由来UGT73Fサブファミリー酵素の機能解析</p> <p>Characterization of triterpene-related UGT73F proteins derived from licorice</p> <p>○野村 勇太、Soo Yeon Chung、金澤 光司、辻 恵里花、關 光、村中 俊哉 (大阪大院・工)</p>	<p>3D-05</p> <p>ゲノム編集モジュールの<i>in vivo</i>評価システムの開発</p> <p><i>In vivo</i> evaluation system for genome editing module</p> <p>○今野 涼太^{1,2}、田中 裕之²、児玉 豊² (¹宇都宮大学大学院 農学研究科、²宇都宮大学 バイオサイエンス教育研究センター)</p>

口頭発表

第3日目 8月31日(木) 9:15~11:51

時間	B会場	C会場	D会場
10:15	<p>3B-06</p> <p>トウモロコシ受精卵への物質導入と植物体再生 PEG-calcium transfection and in vitro regeneration in isolated maize zygote</p> <p>○加藤 紀夫^{1,2,3}、戸田 絵梨香^{2,3}、網島 雅子¹、岡本 龍史^{2,3} (日本たばこ産業(株)植物イノベーションセンター、²理研イノベーション推進センター、³首都大・理工・生命科学)</p>	<p>3C-06</p> <p>ゲノム編集によるジャガイモ<i>SSR2</i>破壊とヌルセグリガント獲得に向けて Disruption of Potato <i>SSR2</i> by Genome Editing to Obtain Null Segregants</p> <p>○梅基 直行¹、安本 周平²、澤井 学²、關 光²、李 榮宰³、水谷 正治³、浅野 賢治⁴、齊藤 和季¹、村中 俊哉² (理研・CSRS、²阪大院・工、³神戸大院・農、⁴農研機構・北農研)</p>	<p>3D-06</p> <p>ゼニコケ無性芽を用いた形質転換法 (アガートラップ法)の効率化 A highly efficient transformation method (AgarTrap) using gemmalings of <i>Marchantia polymorpha</i></p> <p>○田中(坪山) 祥子^{1,2}、野中 聡子³、江面 浩³、児玉 豊¹ (宇都宮大・バイオセンター、²東京農工大院・農、³筑波大・T-PIRC)</p>
10:27	<p>3B-07</p> <p>マオウ属植物の培養シュートの発根 Rooting of genus <i>Ephedra</i> cultured shoots</p> <p>○吉松 嘉代¹、河野 徳昭¹、瀧野 裕之¹、乾 貴幸¹、飯田 修¹、御影 雅幸²、小川 健一³、川原 信夫¹ (医薬基盤・健康・栄養研究所薬用植物資源研究センター、²東京農業大学農学部、³岡山県農林水産総合センター 生物科学研究所)</p>	<p>3C-07</p> <p>TALEN によるジャガイモ <i>CYP88B1</i> 遺伝子の破壊 Disruption of Potato <i>CYP88B1</i> by TALEN Technology</p> <p>○安本 周平¹、澤井 学¹、島津 知華¹、關 光¹、梅基 直行²、水谷 正治³、齊藤 和季²、村中 俊哉¹ (阪大院・工、²理研 CSRS、³神戸大院・農)</p>	<p>3D-07</p> <p>CRISPR/Cas9によるメロンのゲノム編集 Genome editing of melon via CRISPR/Cas9</p> <p>○野中 聡子^{1,2}、矢野 亮一¹、江面 浩^{1,2} (筑波大学 生命環境系、²筑波大学 つくば機能植物イノベーション研究センター)</p>
10:39	<p>3B-08</p> <p>統合オミクスによる薬用植物サンシユエ転写産物の機能アノテーション Integrated-omics guided functional annotation of candidate transcripts in <i>Cornus officinalis</i></p> <p>○Amit Rai¹、蒲地 秀崇¹、森 哲哉²、中林 亮²、中村 道美¹、高橋 弘喜³、鈴木 秀幸⁴、齊藤 和季^{1,2}、山崎 真巳¹ (Grad. Sch. Pharm. Sci., Chiba Univ.、²RIKEN CSRS、³Med. Mycol. Res. Ctr., Chiba Univ.、⁴Dept. R&D, Kazusa DNA Res. Inst.)</p>	<p>3C-08</p> <p>野生種トマトのステロイドグリコアルカロイドの多様性を担う酵素遺伝子の機能解析 Characterization of the genes responsible for steroid glycoalkaloids diversity in wild tomatoes</p> <p>○加藤 純平¹、李 榮宰¹、渡辺 文太²、中安 大¹、小林 緑¹、飯島 陽子³、村中 俊哉⁴、杉本 幸裕¹、水谷 正治¹ (神戸大院・農、²京都市大・化研、³神奈川工科大・栄養生命、⁴大阪大院・工)</p>	<p>3D-08</p> <p>新規ゲノム編集技術による受粉なしで着果するトマト作出 Application of a Novel Genome Editing Technique to Tomato induces Base Substitutions</p> <p>○嘉祥寺谷 幸子¹、辺田 結巳²、三浦 謙治¹、西田 敬二³、近藤 昭彦³、江面 浩¹、有泉 亨¹ (筑波大 生命環境系、²筑波大院 生命環境、³神戸大院 科学技術イノベーション)</p>
10:51	<p>3B-09</p> <p>メタボローム解析による植物抵抗誘導性の評価 Metabolomics-based evaluation of inducers for disease resistance in plant</p> <p>○澤田 有司¹、瀬尾 茂美²、佐藤 心郎¹、岡本 真美¹、瀬尾 直美³、板橋 健³、大阪 正明³、平井 優美³ (理研CSRS、²農研機構、³宮城農園研)</p>	<p>3C-09</p> <p>ホップのリナロール/ネロリドール合成酵素の機能解析と分子進化 Functional characterization and molecular evolution of linalool/nerolidol synthase from hop (<i>Humulus lupulus</i> L.).</p> <p>○影山 丈士¹、杉村 哲²、棟方 涼介¹、百瀬 真幸³、梅基 直行³、小原 一朗³、三沢 典彦⁴、新藤 一敏⁵、矢崎 一史¹ (京大院・生存研、²キリン・酒類研、³キリン・基盤研、⁴石川県大・生資研、⁵日女大・家政)</p>	<p>3D-09</p> <p>トマトモデル品種マイクロトムリソース整備の成果 Development of 'Micro-Tom' resource as model variety of tomato</p> <p>○星川 健¹、有泉 亨¹、福田 直也¹、久保 康隆²、金山 喜則³、矢野 健太郎⁴、青木 考⁵、江面 浩¹ (筑波大・生命環境、²岡山大院・環境生命科学、³東北大院・農学、⁴明治大・農学、⁵大阪府立大院・生命環境科学)</p>

口頭発表

第3日目 8月31日(木) 9:15~11:51

時間	B会場	C会場	D会場
11:03	<p>3B-10</p> <p>PlantExpress: 植物のマイクロアレイデータを用いた遺伝子発現ネットワークの種間比較解析のためのWebデータベース・解析ツール</p> <p>PlantExpress: A Database for Single-species and Cross-species Gene Expression Network Analyses with Microarray-Based Transcriptome Data</p> <p>○工藤 徹、寺島 伸、齋藤 美沙、菅野 真麻、矢野 健太郎 (明治大・農)</p>	<p>3C-10</p> <p>ムラサキのシコニン分泌系を用いた細胞外分泌脂質の解析</p> <p>Analysis of extracellular lipid using shikonin production cultured cell of <i>Lithospermum erythrorhizon</i></p> <p>○巽 奏¹、井坂 夏海¹、岡咲 洋三²、佐藤 繭子²、豊岡 公德²、梶川 昌孝³、福澤 秀哉³、齊藤 和季^{2,4}、矢崎 一史¹ (1京大生存研、2理研CSRS、3京大生命、4千葉大薬)</p>	<p>3D-10</p> <p>トマト機能改変を目指したCRISPR/Cas9による高効率ゲノム編集技術の確立</p> <p>High-efficiency genome editing using CRISPR/Cas9 targeted to the functional genes in tomato</p> <p>○上田 梨紗、阿部 千尋、橋本 諒典、刑部 祐里子、刑部 敬史 (徳島大学 生物資源産業学部)</p>
11:15	<p>3B-11</p> <p>RNA-Seq解析に基づいた植物遺伝子発現データベースPLAGOの構築と利用</p> <p>Construction and utilization of PLAGO, plant gene expression database based on RNA-seq analyses</p> <p>尾形 善之^{1,2}、○木村 尚寛¹、鈴木 秀幸² (1大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科、2公益財団法人 かずさDNA研究所)</p>	<p>3C-11</p> <p>アスパラガス属植物の根におけるイメージング質量分析を用いたサポニンの局在解析</p> <p>Spatial analysis of saponins by imaging mass spectrometry in <i>Asparagus</i> roots</p> <p>○中林 亮¹、森 哲哉¹、Qiu Feng²、橋本 恵¹、須藤 浩³、Lloyd Sumner²、豊岡 公德¹、齊藤 和季^{1,4} (1理研CSRS、2University of Missouri、3星薬科大、4千葉大・院・薬)</p>	<p>3D-11</p> <p>植物内在性遺伝子における人為的な配列特異的DNAメチル化誘導機構の解析 (1)</p> <p>Analysis of artificial TGS induction mechanism for endogenous gene in plants (1)</p> <p>○松尾 幸毅、厚見 剛、福澤 徳穂、松村 健 (産総研・生物プロセス)</p>
11:27	<p>3B-12</p> <p>C4草本植物ソルガムにおけるマルチトランスクリプトーム解析とMOROKOSHIデータベースの紹介</p> <p>Multi-transcriptome data analysis in <i>Sorghum bicolor</i> and MOROKOSHI database</p> <p>○蒔田 由布子、川島 美香、栗山 朋子、嶋田 勢津子、松井 南 (理研CSRS 合成ゲノミクス)</p>	<p>3C-12</p> <p><i>Helichrysum italicum</i> 由来ポリケタイド合成酵素に関する研究</p> <p>Studies on new plant type III polyketide synthase from <i>Helichrysum italicum</i></p> <p>○川畑 文明、黒崎 文也、田浦 太志 (富山大院・薬)</p>	<p>3D-12</p> <p>植物内在性遺伝子における人為的な配列特異的DNAメチル化誘導機構の解析 (2)</p> <p>Analysis of artificial TGS induction mechanism for endogenous gene in plants (2)</p> <p>○厚見 剛、福澤 徳穂、松村 健 (産総研・生物プロセス)</p>
11:39	<p>3B-13</p> <p>パラゴムノキ (<i>Hevea brasiliensis</i>) のゲノム解析およびトランスクリプトーム解析とデータベースの作成</p> <p>Genomic and transcriptomic analysis of para-rubber tree (<i>Hevea brasiliensis</i>) and construction of Rubber database</p> <p>○川島 美香¹、蒔田 由布子¹、Nyok-Sean Lau²、松井 南¹ (1理化学研究所 環境資源科学研究センター、2Centre for Chemical Biology, Universiti Sains Malaysia)</p>	<p>3C-13</p> <p>エゾムラサキツツジのダウリクロメン酸合成に関与するプレニル転移酵素</p> <p>Characterization of prenyltransferase involved in biosynthesis of daurichromenic acid from <i>Rhododendron dauricum</i></p> <p>○佐伯 春奈、飯島 未宇、黒崎 文也、田浦 太志 (富山大院・薬)</p>	<p>3D-13</p> <p>細胞膜透過ペプチド：ポリヒスチジンの植物細胞に対する分子輸送</p> <p>Molecular delivery into plant cells by polyhistidine peptides</p> <p>○山崎 明歳¹、木村 さやか¹、大村 昂誠²、河野 強^{1,2}、岩崎 崇^{1,2} (1鳥取大学大学院 持続性社会創生科学研究科、2鳥取大学 農学部)</p>